



ORIGINAL

Inhibición del crecimiento y modificación genética de *Phytophthora capsici* usando quitosano de bajo grado de polimerización



José E. Ramírez-Benítez^a, Raúl. A. Arjona Sabido^b, José H. Caamal Velázquez^c, Norma L. Rodríguez Ávila^d, Sara E. Solís Pereira^b y Gabriel Lizama Uc^{b,*}

^a Universidad Autónoma de Campeche, San Francisco de Campeche, Campeche, México

^b Tecnológico Nacional de México, Instituto Tecnológico de Mérida, Mérida, Yucatán, México

^c Colegio de Posgraduados Campus Campeche, Sihochac, Campeche, México

^d Instituto Tecnológico de Chiná, Chiná, Campeche, México

Recibido el 9 de marzo de 2017; aceptado el 16 de marzo de 2018

Disponible en Internet el 20 de julio de 2018

PALABRAS CLAVE

Phytophthora capsici;
Quitosano;
Regulación

Resumen *Phytophthora capsici* es un patógeno que incide sobre cultivos de la familia de las solanáceas causando pérdidas económicas en cultivos de pimientos, tomates, berenjenas y curcubitáceas. En este trabajo evaluamos el efecto del quitosano de bajo grado de polimerización (QBP) sobre el crecimiento de *P. capsici* y sobre la regulación génica de este fitopatógeno a nivel transcripcional. A una concentración de 0,4 mg/l de QBP se obtuvo un 88% de inhibición en el crecimiento; concentraciones superiores a 1,6 mg/l inhibieron el crecimiento en un 100%. Mediante ensayos de cambio en la movilidad electroforética de ácidos nucleicos se comprobó que el quitosano interactúa con el ADN y el ARN del hongo frente a concentraciones entre 2 y 4 mg/l de ADN y entre 0,5 y 3 mg/l de ARN. Además, se efectuó un análisis de despliegue diferencial de los productos de amplificación por RT-PCR de los ARN mensajeros de *P. capsici* obtenidos en presencia o ausencia de QBP; este mostró cambios en el perfil de expresión inducidos por el tratamiento con quitosano. El análisis bioinformático de las secuencias de los transcritos expresados diferencialmente sugiere que el QBP afectó la regulación génica de elementos involucrados en la síntesis de quitina y de proteínas de unión a hidratos de carbono. Publicado por Elsevier España, S.L.U. en nombre de Asociación Argentina de Microbiología. Este es un artículo Open Access bajo la licencia CC BY-NC-ND (<http://creativecommons.org/licenses/by-nc-nd/4.0/>).

* Autor para correspondencia.

Correo electrónico: lizama73@hotmail.com (G. Lizama Uc).

KEYWORDS

Phytophthora capsici;
Chitosan;
Regulation

Growth inhibition and genetic modification of *Phytophthora capsici* using chitosan with low degree of polymerization

Abstract *Phytophthora* blight of peppers, caused by oomycete *Phytophthora capsici*, currently causes economic losses in crops such as peppers, tomatoes, eggplant and cucurbits. In this work, we evaluated the effect of chitosan with low degree of polymerization (LDP) on growth and gene expression of *P. capsici* cultures. LDP chitosan inhibited 88% of *P. capsici* mycelial growth at concentrations up to 0,4 mg/l, whereas at concentrations higher than 1,6 mg/l it completely inhibit growth. Gel mobility shift assays demonstrated that chitosan interacts with DNA and RNA of the fungus at concentrations ranging from 2 to 4 mg/l for DNA and 0,5 to 3 mg/l for RNA. The differential display analysis of RT-PCR-amplification products of *P. capsici* messenger RNA revealed changes in gene expression profiles after the chitosan treatment. Bioinformatic analysis of sequences from selected differentially-expressed bands showed the gene regulation of elements involved in chitin synthesis and carbohydrate-binding proteins.

Published by Elsevier España, S.L.U. on behalf of Asociación Argentina de Microbiología. This is an open access article under the CC BY-NC-ND license (<http://creativecommons.org/licenses/by-nc-nd/4.0/>).

Introducción

Las plantas, en su medio natural, pueden ser atacadas por microorganismos patógenos. El oomiceto *Phytophthora capsici* es un patógeno que causa una grave enfermedad en plantas de la familia de las solanáceas, entre ellas el chile habanero, la papa, el tomate y la calabaza¹⁵. La infección por este fitopatógeno se previene mediante la rotación de cultivos, el manejo adecuado del riego y la aplicación de agentes químicos sintéticos²⁰. Sin embargo, el uso de pesticidas tiene efectos adversos sobre el medio ambiente.

El quitosano, un compuesto no tóxico para las plantas, puede inducir o incrementar la resistencia a los microorganismos patógenos cuando es aplicado a semillas^{22,37}, frutos⁶ y hojas⁴¹; este efecto se basa en la inducción de enzimas relacionadas con la defensa^{4,24}. En este sentido, se ha evidenciado que el tratamiento con quitosano incrementa la actividad de quitinasas y β -1,3 glucanasas en frutos de naranja y fresas^{4,9,45}. Por otra parte, en tomate se observó que la aplicación de quitosano incrementó la actividad de polioxidases, lo que dio como resultado un incremento en la resistencia a *Botrytis cinerea*^{5,26}.

Se ha demostrado que el quitosano tiene un amplio espectro de actividad antimicrobiana^{1,17,25,29,31,38,46}, al inhibir el crecimiento de microorganismos como *Escherichia coli*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Candida albicans*, *Candida glabrata*, *Fusarium oxysporum*, *Alternaria kikuchiana* y *Phylospora piricola*, así como de otros agentes que pueden encontrarse en frutos almacenados en la etapa de poscosecha^{4,6,16,40}. Tal es el caso de *Alternaria alternata*, *Colletotrichum gloeosporioides*, *Rhizopus stolonifer* y miembros del género *Penicillium*, entre otros.

Algunos compuestos derivados de la hidrólisis del quitosano (quitoligosacáridos) han demostrado tener actividad antifúngica y han evitado la penetración del patógeno a través de la membrana celular del hospedante⁴³.

Derivados del quitosano fueron capaces de penetrar en la célula de *P. capsici* y de inhibir este microorganismo, por lo que se hipotetiza que el quitosano de bajo grado de

polimerización (QBP) sería capaz de inhibir su crecimiento, por unirse a los ácidos nucleicos y modificar así la expresión génica.

El objetivo del presente trabajo fue evaluar la capacidad del QBP de inhibir el crecimiento de *P. capsici*, de unirse a su ADN y ARN y de incidir sobre la regulación génica de dicho fitopatógeno.

Materiales y métodos**Ensayos de inhibición del crecimiento de *P. capsici* en placa**

La cepa de *P. capsici* empleada en este estudio fue donada por el Dr. José Juan Zúñiga Aguilar (Departamento de Biología Molecular, Centro de Investigación Científica de Yucatán, México). Para su multiplicación, *P. capsici* fue sembrada en cajas de Petri que contenían PDA (glucosa-papa-agar) e incubada por 6 días a 27 °C. Se empleó QBP (PM 40.000- 60.000), con un grado de acetilación entre el 75 y el 85% (Sigma-Aldrich, St. Louis, MO, EE. UU.). Las soluciones de uso de QBP fueron preparadas según la metodología descrita por Benhamou y Thériault⁷, a partir de una solución madre de quitosano (2 g/l) en HCl 0,25 M pH 5,5 (ajustado con NaOH). Se adicionaron distintas alícuotas de solución de quitosano en el medio PDA estéril a 50 °C, antes de su vertido en las cajas Petri, para obtener las concentraciones de ensayo (0,4-4 mg/l). Las placas así preparadas se dejaron gelificar a temperatura ambiente y se incubaron a 27 °C durante 24 h para verificar su esterilidad. Luego se almacenaron en oscuridad hasta su uso.

Para evaluar si se producía inhibición del crecimiento, discos de micelio (6 mm de diámetro) fueron transferidos a placas con PDA que contenían diferentes concentraciones de quitosano. Tras una incubación en oscuridad a 27 °C durante 7 días, se midió el crecimiento radial del oomiceto.

El porcentaje de inhibición del crecimiento fue calculado a partir de la siguiente fórmula:

$$\% \text{ inhibición} = \frac{(\text{diámetro del micelio sin quitosano}) - (\text{diámetro del micelio con quitosano})}{(\text{diámetro del micelio sin quitosano})} \times 100$$

El experimento fue realizado por triplicado. Los resultados fueron tratados mediante un análisis de varianza (ANOVA) y prueba de Tukey, con una $p \leq 0,05$.

Extracción de ARN total de micelios y ensayo de despliegue diferencial

Muestras de micelio desarrollado en placas con PDA con o sin quitosano fueron colectadas en tubos Eppendorf estériles y almacenadas a -80°C . La extracción de ARN se realizó utilizando el reactivo TRIZOL (Invitrogen, cat. N.º 15596026), siguiendo las recomendaciones del fabricante. Los extractos de ARN fueron cuantificados mediante espectrofotometría a 260 nm.

Se sintetizó el ADN complementario a partir de 2 μg de ARN total (de las muestras tratadas con 0,4 mg de QBP/l) mediante retrotranscripción, usando el sistema de transcriptasa reversa ImProm-II (Promega, cat. N.º A3800). La reacción se realizó durante 60 min a 42°C , haciendo uso del cebador oligo(dT)12-18 del sistema. Posteriormente, se inactivó la transcriptasa reversa por calentamiento durante 5 min a 70°C . La reacción en cadena de la polimerasa (PCR) se llevó a cabo utilizando una alícuota de 1 μl del producto de la retrotranscripción y las siguientes combinaciones de cebadores directo (T) y reverso (P) del kit comercial Clontech Delta Differential Display²⁸:

- Combinación 1:
 - T10: 5'-ATTAACCTCACTAAAGCACCGTCC-3'.
 - P6: 5'-CATTATGCTGAGTGATATCTTTTTTTTTTCG-3'.
- Combinación 2:
 - T2: 5'-CATTATGCTGAGTGATATCTTTTTTTTTTAC-3'
 - P7: 5'-ATTAACCTCACTAAATGCTGTATG-3'
- Combinación 3:
 - T6: 5'-CATTATGCTGAGTGATATCTTTTTTTTTTCG-3'.
 - P1: 5'-ATTAACCTCACTAAATGCTGGGGA-3'.
- Combinación 4:
 - T7: 5'-CATTATGCTGAGTGATATCTTTTTTTTTTGA-3'.
 - P3: 5'-ATTAACCTCACTAAATGCTGGTGG-3'.

El programa de amplificación fue el siguiente:

- Etapa 1: 94°C por 5 min, 40°C por 5 min, 68°C por 5 min, 1 ciclo.
- Etapa 2: 94°C por 2 min, 40°C por 5 min, 68°C por 5 min, 2 ciclos.
- Etapa 3: 94°C por 1 min, 60°C por 1 min, 68°C por 2 min, 25 ciclos.

Para la comparación de las muestras, 5 μl de los productos de la PCR fueron fraccionados en geles de secuenciación desnaturizantes al 5% de poliacrilamida/8M de urea en amortiguador TBE 0,5 \times 70 V por 2,5 h. Los geles fueron teñidos con nitrato de plata, de acuerdo con la metodología descrita por Bassam et al.³. Las bandas de ADNc diferenciales fueron escindidas del gel, purificadas y reamplificadas

Tabla 1 Inhibición del crecimiento micelial de *Phytophthora capsici* en placa en presencia de diferentes concentraciones de quitosano de bajo grado de polimerización

Concentración de quitosano (mg/l)	Inhibición micelial (%) de <i>P. capsici</i>
0	0 a
0,4	88 b
0,8	92 b
1,6	99 c
2,4	100 c
3,2	100 c
4	100 c

Letras distintas indican diferencias significativas entre tratamientos ($p \leq 0,05$).

con el programa descrito anteriormente. Los productos de amplificación fueron clonados mediante el sistema de clonación pGEM-T-Easy (Promega, cat. N.º A1360). Los clones recombinantes fueron cultivados en caldo LB y tratados mediante extracción del plásmido recombinante haciendo uso del sistema PureYield™ Plasmid Miniprep (Promega, cat. N.º A1222). Los plásmidos recombinantes fueron secuenciados en el Instituto de Biotecnología-UNAM. Las secuencias obtenidas de cada banda fueron analizadas mediante el algoritmo BLAST² para su comparación con los registros de secuencias en la base de datos del NCBI.

Ensayos de cambio de movilidad electroforética de ácidos nucleicos

Se extrajeron los ácidos nucleicos (ADN y ARN) de micelios de *P. capsici* crecido en medio PDA sin quitosano. El ADN genómico fue extraído de acuerdo con la metodología descrita por Goodwin et al.¹¹, mientras que el ARN total se extrajo haciendo uso de TRIZOL, como ya fue descrito. Los extractos de ARN fueron cuantificados mediante espectrofotometría a 260 nm.

Los ensayos de cambio de movilidad electroforética se llevaron a cabo mezclando 0,5 μg de QBP en solución 0,25 M de HCl (pH 5,5) con 7 μg de ARN total o 4,3 μg de ADN genómico para un volumen total de 10 μl . La mezcla de reacción fue incubada 30 min a 25°C . Posteriormente, se adicionaron 2 μl de amortiguador de carga para ADN 6X (Thermo Scientific, cat. N.º R0611). Las muestras de ácidos nucleicos fueron cargadas en gel de agarosa al 1% en amortiguador TBE (ARN) o al 0,5% en amortiguador TAE (ADN) y tratadas mediante una diferencia de potencial de 100 V durante 40 min. Los fragmentos de ácidos nucleicos fueron revelados haciendo uso de un baño del fluorocromo intercalador SYBR Safe (Thermo Scientific, cat. N.º S33102) y visualizados en un fotodocumentador UV.

Resultados y discusión

El quitosano puede inhibir el crecimiento de un importante número de microorganismos patógenos y esta inhibición depende de la concentración y del microorganismo^{8,21,35}. En el presente estudio se evaluó el efecto del QBP sobre el crecimiento de *P. capsici* (tabla 1).

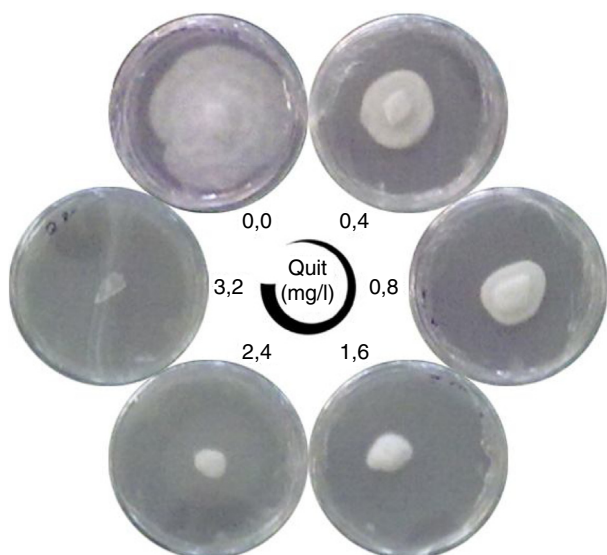


Figura 1 Efecto del quitosano de bajo grado de polimerización (QBP) sobre el crecimiento de *Phytophthora capsici* en placa. Discos inoculados con *P. capsici* fueron incubados durante 7 días en placas de medio PDA que contenían diferentes concentraciones de QBP (Quit). Se muestran placas representativas de cada tratamiento.

En la [figura 1](#) se observa el efecto del QBP sobre el crecimiento del micelio de *P. capsici*. Mientras que concentraciones bajas de este compuesto (0,4 mg/l) ocasionaron un 88% de inhibición del crecimiento del oomiceto, concentraciones superiores a 0,8 mg/l inhibieron completamente su crecimiento. Las concentraciones de quitosano empleadas en este estudio son inferiores a las evaluadas por Mukul López et al.³⁰, quienes analizaron el efecto del quitosano de alto grado de polimerización sobre *P. capsici*. Nuestros resultados corroboran la observación de que el grado de polimerización es un factor que influye sobre el efecto antimicrobiano de este compuesto^{18,42}.

Varios estudios indican que el quitosano neutraliza las cargas electronegativas en la superficie celular y cambia la permeabilidad de la célula fúngica, lo que causa la fuga de los electrolitos intracelulares y de material proteico¹². Asimismo, se ha demostrado que el quitosano provoca la liberación de aminoácidos y proteínas en células de *R. stolonifer*⁸. Además, se ha reportado que el tratamiento con quitosano causa cambios en la integridad de la membrana de esporas y liberación de proteínas intracelulares, y que este efecto es dependiente del microorganismo, el grado de polimerización y la concentración del quitosano¹⁰. Se ha determinado que existe una relación directa entre el contenido de ácidos grasos poliinsaturados de la membrana plasmática microbiana y el grado de permeabilización celular inducida por el tratamiento con quitosano³⁴.

Otro modo de acción del quitosano ocurre intracelularmente, aunque son pocos los reportes que demuestran que el quitosano puede introducirse en la célula^{12,14,19}. En estudios recientes se comprobó que el quitosano penetra en conidios de *F. oxysporum* y causa desorganización del citoplasma y pérdida del contenido intracelular^{33,34}. También se observó que el oligoquitosano penetra en la célula y causa

una disrupción en el sistema endomembranal de *P. capsici*⁴³, además de asociarse a los ácidos nucleicos⁴⁴.

Con el fin de evaluar si el quitosano se puede unir a los ácidos nucleicos, en este estudio se realizaron ensayos de movilidad electroforética en gel de agarosa del ADN genómico y del ARN total de *P. capsici*. Se observó la retención del ADN en los pocillos cuando las muestras se incubaron con 0,5 mg/l o más de quitosano ([fig. 1A, material suplementario](#)), por lo que se sugiere que la asociación del quitosano a las moléculas de ADN impide su entrada en el gel. Un efecto similar fue observado en las muestras de ARN total ([fig. 1B, material suplementario](#)), en donde el incremento de la concentración de quitosano en la muestra disminuye la cantidad de ARN en el gel, hasta el punto de disminuir su entrada y provocar su acumulación en el pozo de carga (a partir de 1 mg/l de quitosano).

Respecto al mecanismo de unión del quitosano a los ácidos nucleicos, debemos descartar la asociación electrostática debido al pH alcalino del amortiguador de corrida (TBE y TAE), que confiere cargas negativas tanto para los grupos funcionales del quitosano como para el esqueleto de fosfatos de los ácidos nucleicos.

Novoa-Carballal et al. demostraron que la disminución del grado de polimerización y acetilación de los polímeros de quitosano favorece la formación de dominios hidrofóbicos en la molécula³². Dichos dominios tienen efectos importantes en la reología de las soluciones acuosas del quitosano, así como en su interacción con otras macromoléculas. Específicamente, se ha demostrado que la interacción de moléculas que poseen dominios hidrofóbicos con el ADN es a través de su asociación con el surco menor²⁷. Considerando lo anterior, es probable que el QBP interactúe a través de dichos dominios con los ácidos nucleicos de *P. capsici*, y que estos formen aglomerados voluminosos que son retenidos en el pozo de siembra en los geles de agarosa, lo que explicaría lo observado en los ensayos de cambio de movilidad electroforética.

Se ha propuesto que los derivados del quitosano se unen al ADN, lo cual ocasionaría la inhibición de la síntesis de ARNm y, por consiguiente, la síntesis de proteínas, dado que estos compuestos penetran hacia el interior de la célula hasta el núcleo de los microorganismos^{13,39}.

Con el fin de explorar si el tratamiento con QBP modifica la abundancia de transcritos en *P. capsici*, se recurrió a la técnica del despliegue diferencial²³. Las muestras de ARN fueron extraídas del tratamiento con 0,4 mg/l de quitosano; los cambios ocasionados por dicho compuesto fueron evaluados con 4 juegos de cebadores P-T. En la [figura 2](#) se muestra un gel representativo del experimento, llevado a cabo con la combinación de cebadores P6-T10. Se puede observar que la mayoría de las bandas se mantienen sin cambios; sin embargo, hay algunos genes que son sobreexpresados o reprimidos ([fig. 2](#)). Se seleccionaron 13 bandas para su purificación y secuenciación, con base en el criterio del nivel de intensidad de la banda (sobreexpresión o represión). Los productos de amplificación correspondientes fueron recuperados de las bandas escindidas del gel, reamplificados por PCR y clonados en plásmidos vectores. Los plásmidos recombinantes fueron secuenciados y las secuencias obtenidas fueron analizadas mediante el algoritmo BLAST². Este análisis mostró que el inserto del clon RST-4 (que se sobreexpresa en el tratamiento con quitosano) presentó una homología del

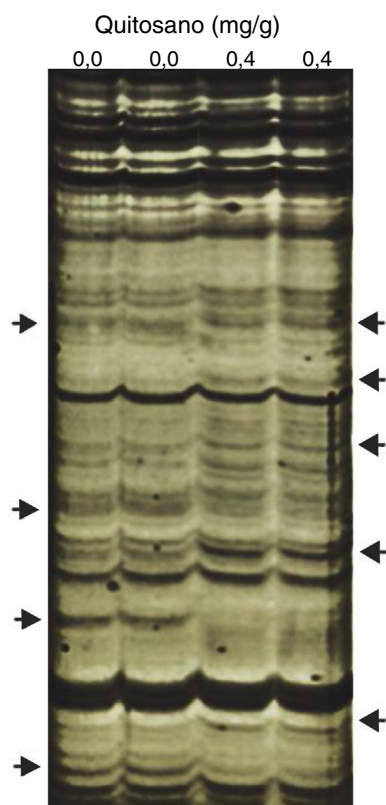


Figura 2 Despliegue diferencial de genes transcritos en micelios de *Phytophthora capsici* desarrollados en ausencia o en presencia de quitosano de bajo grado de polimerización (0,4 mg/l). Se muestra el producto de la retrotranscripción amplificado con la combinación de cebadores 1 (T10-P6) del kit comercial Clontech Delta Differential Display. La abundancia de transcritos fue revelada por tinción con nitrato de plata. Las flechas ubicadas a la derecha señalan los transcritos sobre-expresados en el tratamiento con quitosano; las ubicadas a la izquierda, los reprimidos.

94% con la secuencia de glucosaminil (N-acetil) transferasa, que cataliza la síntesis de quitina (n.º de acceso en GenBank AK317729.1). El inserto del clon RIC1 (que se reprime en el tratamiento con quitosano) presentó homología del 98% con una secuencia de *Phytophthora sojae*, cuya función está relacionada con la unión a hidratos de carbono (n.º de acceso en GenBank AAQY00000000.2). En el clon RIC-8 (reprimido por el tratamiento), el inserto presentó una homología del 99% con la proteína hipotética PITG, cuya función no ha sido establecida (N.º. de acceso en GenBank XM_002907859.1). Los clones restantes no presentaron homología con ningún gen anotado para hongos.

La regulación génica inducida por el quitosano en microorganismos ha sido demostrada al menos en *Staphylococcus aureus* SG511, en donde se observó efecto sobre genes involucrados en la síntesis de proteínas y de ARN, así como en el metabolismo de hidratos de carbono, aminoácidos, lípidos y coenzimas³⁶.

Los resultados de este trabajo demuestran que el QBP a la concentración de 0,4 mg/l ejerce un efecto de inhibición sobre el crecimiento de *P. capsici* de al menos del 88%. Los ensayos de cambio de movilidad electroforética

demonstraron que el QBP es capaz de unirse a moléculas como el ADN y el ARN. Por otra parte, los ensayos de despliegue diferencial demostraron que el quitosano induce cambios a nivel transcripcional, activando o reprimiendo genes. Entre las secuencias obtenidas se encontraron algunas con homología con aquellas que codifican transportadores y receptores de hidratos de carbono; se ha informado que estas moléculas son reguladas por quitosano¹³.

El análisis global de estos resultados demuestra que el QBP y a bajas concentraciones ejerce un efecto inhibitorio sobre *P. capsici*.

Financiación

Se agradece al financiamiento otorgado por parte del Programa para el Desarrollo Profesional Docente (PRODEP) al proyecto ITMER-PTC-003.

Conflicto de intereses

Los autores declaran no tener ningún conflicto de intereses.

Anexo. Material adicional

Se puede consultar material adicional a este artículo en su versión electrónica disponible en [doi:10.1016/j.ram.2018.03.003](https://doi.org/10.1016/j.ram.2018.03.003).

Bibliografía

- Al-Hetar M, Abidin Z, Sariah M, Wong M. Antifungal activity of chitosan against *Fusarium oxysporum* f. sp. *ubense*. *J Appl Polym Sci*. 2011;120:2434–9.
- Altschul SF, Gish W, Miller W, Myers EW, Lipman DJ. Basic local alignment search tool. *J Mol Biol*. 1990;215:403–10.
- Bassam BJ, Caetano-Anollés G, Gresshoff PM. Fast and sensitive silver staining of DNA in polyacrylamide gels. *Anal Biochem*. 1991;196:80–3.
- Bautista-Baños S, Hernández-Lauzardo AN, Velázquez-del Valle MG, Hernández-López M, Ait Barka E, Bosquez-Molina E, Wilson CL. Chitosan as a potential natural compound to control pre and postharvest diseases of horticultural commodities. *Crop Protect*. 2006;25:108–18.
- Ben-Shalom N, Ardi R, Pinto R, Aki C, Fallik E. Controlling gray mould caused by *Botrytis cinerea* in cucumber plants by means of chitosan. *Crop Protect*. 2003;22:285–90.
- Benhamou N. Potential of the mycoparasite, *Verticillium lecanii*, to protect citrus fruit against *Penicillium digitatum*, the causal agent of green mold: A comparison with the effect of chitosan. *Phytopathology*. 2004;94:693–705.
- Benhamou N, Thériault G. Treatment with chitosan enhances resistance of tomato plants to the crown and root rot pathogen *Fusarium oxysporum* f. sp. *radicis-lycopersici*. *Physiol Mol Plant Pathol*. 1992;41:33–52.
- El Ghaouth A, Arul J, Grenier J, Asselin A. Antifungal activity of chitosan on 2 postharvest pathogens of strawberry fruits. *Phytopathology*. 1992;82:398–402.
- Fajardo JE, McCollum TG, McDonald RE, Mayer RT. Differential induction of proteins in orange flavedo by biologically based elicitors and challenged by *Penicillium digitatum* Sacc. *Biol Control*. 1998;13:143–51.
- García-Rincón J, Vega-Pérez J, Guerra-Sánchez MG, Hernández-Lauzardo AN, Peña-Díaz A, Velázquez-del Valle MG. Effect of

- chitosan on growth and plasma membrane properties of *Rhizopus stolonifer* (Ehrenb.:Fr.) Vuill. Pestic Biochem Physiol. 2010;97:275–8.
11. Goodwin SB, Drenth A, Fry WE. Cloning and genetic analyses of 2 highly polymorphic, moderately repetitive nuclear DNAs from *Phytophthora infestans*. Curr Genet. 1992;22:107–15.
 12. Guo Z, Xing R, Liu S, Zhong Z, Ji X, Wang L, Wang LAT. The influence of molecular weight of quaternized chitosan on antifungal activity. Carbohydr Polym. 2008;71:694–7.
 13. Hadwiger LA, Kendra DF, Fristensky BW, Wagoner W. Chitosan both activates genes in plants and inhibits RNA synthesis in fungi. En: Muzzarelli R, Jeuniaux C, Gooday GW, editores. Chitin in nature and technology. Boston, MA: Springer US; 1986. p. 209–14.
 14. Harish Prashanth KV, Dharmesh SM, Jagannatha Rao KS, Tharanathan RN. Free radical-induced chitosan depolymerized products protect calf thymus DNA from oxidative damage. Carbohydr Res. 2007;342:190–5.
 15. Hausbeck MK, Lamour KH. *Phytophthora capsici* on vegetable crops: Research progress and management challenges. Plant Dis. 2004;88:1292–303.
 16. Hirano S, Nagao N. Effects of chitosan, pectic acid, lysozyme, and chitinase on the growth of several phytopathogens. Agric Biol Chem. 1989;53:3065–6.
 17. Jeon Y-J, Park P-J, Kim S-K. Antimicrobial effect of chitooligosaccharides produced by bioreactor. Carbohydr Polym. 2001;44:71–6.
 18. Kauss H, Jeblick W, Domard A, Siegrist J. Partial acetylation of chitosan and a conditioning period are essential for elicitation of H₂O₂ in surface-abraded tissues from various plants. Adv Chitin Sci. 1997;2:94–101.
 19. Kim KW, Thomas RL. Antioxidative activity of chitosans with varying molecular weights. Food Chem. 2007;101:308–13.
 20. Kuhajek JM, Jeffers SN, Slattery M, Wedge DE. A rapid microbioassay for discovery of novel fungicides for *Phytophthora* spp. Phytopathology. 2003;93:46–53.
 21. Laflamme P, Benhamou N, Bussi eres G, Dessureault M. Differential effect of chitosan on root rot fungal pathogens in forest nurseries. Can J Bot. 2000;77:1460–8.
 22. Lafontaine PJ, Benhamou N. Chitosan treatment: An emerging strategy for enhancing resistance of greenhouse tomato plants to infection by *Fusarium oxysporum* f.sp. *radicis-lycopersici*. Biocontrol Sci Technol. 1996;6:111–24.
 23. Liang P, Pardee AB. Differential display of eukaryotic messenger RNA by means of the polymerase chain reaction. Science. 1992;257:967–71.
 24. Lin W, Hu X, Zhang W, Rogers WJ, Cai W. Hydrogen peroxide mediates defence responses induced by chitosans of different molecular weights in rice. J Plant Physiol. 2005;162:937–44.
 25. Liu N, Chen X-G, Park H-J, Liu C-G, Liu C-S, Meng X-H, Yu L-J. Effect of MW and concentration of chitosan on antibacterial activity of *Escherichia coli*. Carbohydr Polym. 2006;64:60–5.
 26. Liu J, Tian S, Meng X, Xu Y. Effects of chitosan on control of post-harvest diseases and physiological responses of tomato fruit. Postharvest Biol Technol. 2007;44:300–6.
 27. Mazur S, Taniou FA, Ding D, Kumar A, Boykin DW, Simpson IJ, Neidle S, Wilson WD. A thermodynamic and structural analysis of DNA minor-groove complex formation. J Mol Biol. 2000;300:321–37.
 28. McClelland M, Chada K, Welsh J, Ralph D. Arbitrary primed PCR fingerprinting of RNA applied to mapping differentially expressed genes. En: Pena SDJ, Chakraborty R, Epplen JT, Jeffreys AJ, editores. DNA Fingerprinting: State of the Science. Basel, SUI: Birkh user Basel; 1993. p. 103–15.
 29. Meng X, Yang L, Kennedy JF, Tian S. Effects of chitosan and oligochitosan on growth of 2 fungal pathogens and physiological properties in pear fruit. Carbohydr Polym. 2010;81:70–5.
 30. Mukul L pez H, Ortiz V zquez E, Z niga Aguilar JJ, Lizama Uc G. Treatment with chitosan protects habanero pepper against the infection with *Phytophthora capsici*. Isr J Plant Sci. 2010;58:61–5.
 31. No HK, Park NY, Lee SH, Meyers SP. Antibacterial activity of chitosans and chitosan oligomers with different molecular weights. Int J Food Microbiol. 2002;74:65–72.
 32. Novoa-Carballal R, Riguera R, Fernandez-Megia E. Chitosan hydrophobic domains are favoured at low degree of acetylation and molecular weight. Polymer. 2013;54:2081–7.
 33. Palma-Guerrero J, Jansson HB, Salinas J, L pez-Llorca LV. Effect of chitosan on hyphal growth and spore germination of plant pathogenic and biocontrol fungi. J Appl Microbiol. 2008;104:541–53.
 34. Palma-Guerrero J, L pez-Jim nez JA, P rez-Bern  AJ, Huang IC, Jansson HB, Salinas J, Villala n J, Read ND, L pez-Llorca LV. Membrane fluidity determines sensitivity of filamentous fungi to chitosan. Mol Microbiol. 2010;75:1021–32.
 35. Park R-D, Jo K-J, Jo Y-Y, Jin Y-L, Kim K-Y, Shim J-H, Kim Y-W. Variation of antifungal activities of chitosans on plant pathogens. J Microbiol Biotech. 2002;12:84–8.
 36. Raafat D, von Barga K, Haas A, Sahl H-G. Insights into the mode of action of chitosan as an antibacterial compound. Appl Environ Microbiol. 2008;74:3764–73.
 37. Reddy MVB, Arul J, Angers P, Couture L. Chitosan treatment of wheat seeds induces resistance to *Fusarium graminearum* and improves seed quality. J Agric Food Chem. 1999;47:1208–16.
 38. Sebti I, Martial-Gros A, Carnet-Pantiez A, Grelier S, Coma V. Chitosan polymer as bioactive coating and film against *Aspergillus niger* contamination. J Food Sci. 2005;70:M100–4.
 39. Sudarshan NR, Hoover DG, Knorr D. Antibacterial action of chitosan. Food Biotechnol. 1992;6:257–72.
 40. Tajdini F, Amini MA, Nafissi-Varcheh N, Faramarzi MA. Production, physicochemical and antimicrobial properties of fungal chitosan from *Rhizomucor miehei* and *Mucor racemosus*. Int J Biol Macromol. 2010;47:180–3.
 41. Trotel-Aziz P, Couderchet M, Vernet G, Aziz A. Chitosan stimulates defense reactions in grapevine leaves and inhibits development of *Botrytis cinerea*. Eur J Plant Pathol. 2006;114:405–13.
 42. Vander P, V rum KM, Domard A, El Gueddari NE, Moerschbacher BM. Comparison of the ability of partially N-acetylated chitosans and chitooligosaccharides to elicit resistance reactions in wheat leaves. Plant Physiol. 1998;118:1353–9.
 43. Xu J, Zhao X, Han X, Du Y. Antifungal activity of oligochitosan against *Phytophthora capsici* and other plant pathogenic fungi *in vitro*. Pestic Biochem Physiol. 2007;87:220–8.
 44. Xu J, Zhao X, Wang X, Zhao Z, Du Y. Oligochitosan inhibits *Phytophthora capsici* by penetrating the cell membrane and putative binding to intracellular targets. Pestic Biochem Physiol. 2007;88:167–75.
 45. Zhang D, Quantick PC. Antifungal effects of chitosan coating on fresh strawberries and raspberries during storage. J Horticult Sci Biotechnol. 1998;73:763–7.
 46. Zheng L-Y, Zhu J-F. Study on antimicrobial activity of chitosan with different molecular weights. Carbohydr Polym. 2003;54:527–30.